

中文目次

序言

- 1601 微生物基因组：浩瀚的海洋
陈实

基因组编辑

- 1604 CRISPR-Cas9系统与*mazF*介导的大片段删减法在酿酒酵母染色体大片段删减中的比较
吴玉珍, 徐海津, 白艳玲, 张秀明, 乔明强
- 1612 副溶血性弧菌CRISPR的检测及其结构分析
刘伟奇, 董旭日, 汤荣, 陈雯静, 洪庆, 刘海泉, 潘迎捷, 赵勇
- 1621 CRISPR-CAS系统介导的新一代基因靶向修饰技术及其在工业微生物中的应用
程妙文, 罗玮, 杜瑶
- 1634 CRISPR/Cas9介导的基因组定点编辑技术在丝状真菌中的研究进展
刘星辰, 谷守芹, 董金皋
- 1643 细菌CRISPR-Cas系统的研究进展
胡丽, 陈实
- 1653 CRISPR/Cas工具——分子遗传研究的新刃
李文均, 田野

表观遗传修饰

- 1665 地中海富盐菌PhaE蛋白乙酰化修饰对其功能的影响
姜雄健, 王前, 刘桂明, 赵大贺, 刘景芳, 向华

- 1676 甲基化受体蛋白MCP2923在睾丸酮丛毛单胞菌CNB-1趋化过程中的作用

何蕴喆, 黄舟, 姜成英, 刘双江

- 1688 甲基化修饰在细菌表观调控中的功能

童童, 王连荣

- 1698 蛋白质的甲基化研究进展

刘舒婷, 苏杨, 姚玉峰

基因组挖掘

- 1708 细菌的毒素-抗毒素系统：定时炸弹还是免死金牌

郭云学, 李百元, 王晓雪

- 1721 嗜麦芽窄食单胞菌OUC_Est10全基因组测序及脂类水解酶多样性分析

董浩, 芮俊鹏, 孙建安, 李香真, 毛相朝

- 1722 隐性次级代谢产物生物合成基因簇的激活及天然产物定向发现

侯路宽, 李花月, 李文利

- 1735 Red/ET同源重组技术及其在微生物基因组挖掘中的应用进展

郑文韬, 张友明, 卞小莹

其他

封二 欢迎订阅《微生物学报》

文后 征稿简则

文后 《微生物学报》编委会名单

封三 《微生物学报》获奖证书

广告

文前(I/II) 安琪酵母股份有限公司

文前(III/IV) 镇江东方生物工程设备技术有限责任公司

CONTENTS

PREFACE

1601 Microbial genomes: a vast ocean

Shi Chen

GENOME EDITING

1611 Comparison of CRISPR-Cas9 system and *mazF*-mediated method for large deletions in *Saccharomyces cerevisiae*

Yuzhen Wu, Haijin Xu, Yanling Bai, Xiuming Zhang, Mingqiang Qiao

1620 Detection and analysis of CRISPR in *Vibrio parahaemolyticus*

Wei qi Liu, Xuri Dong, Rong Tang, Wenjing Chen, Qing Hong, Haiquan Liu, Yingjie Pan, Yong Zhao

1633 A new generation of targeted gene modification technology guided by CRISPR/CAS system and the application in industrial microorganism

Miaowen Cheng, Wei Luo, Yao Du

1642 Research progress of CRISPR/Cas9 system in genome targeted editing of filamentous fungi

Xingchen Liu, Shouqin Gu, Jingao Dong

1652 Research progress of CRISPR-Cas system in bacteria

Li Hu, Shi Chen

1664 CRISPR/Cas—a new tool for molecular genetic research

Wenjun Li, Ye Tian

EPIGENETIC MODIFICATION

1675 Acetylation regulates the function of PhaE in *Haloferax mediterranei*

Xiongjian Jiang, Qian Wang, Guiming Liu, Dahe Zhao, Jingfang Liu, Hua Xiang

1687 Chemotactic responses towards various organic compounds mediated by MCP2923 in *Comamonas testosteroni* CNB-1

Yunzhe He, Zhou Huang, Chengying Jiang, Shuangjiang Liu

1697 Epigenetic regulation role of DNA methylation in bacteria

Tong Tong, Lianrong Wang

1707 Progress in protein methylation

Shuting Liu, Yang Su, Yufeng Yao

GENOME MINING

1715 Bacterial toxin-antitoxin systems: yin and yang of death and persistence

Yunxue Guo, Baiyuan Li, Xiaoxue Wang

1716 Complete genome sequencing and diversity analysis of lipolytic enzymes in *Stenotrophomonas maltophilia* OUC_Est10

Hao Dong, Junpeng Rui, Jianan Sun, Xiangzhen Li, Xiangzhao Mao

1734 Activation of cryptic microbial biosynthetic gene clusters and structure-guided natural product discovery

Lukuan Hou, Huayue Li, Wenli Li

1746 Advances in Red/ET recombineering and its application for microbial genome mining

Wentao Zheng, Youming Zhang, Xiaoying Bian

(本期责编: 李磊)