

中文目次

中国科学院微生物研究所建所60周年专栏

- 2051 六十载春华秋实 而今迈步从头越——写在中国科学院微生物研究所建所六十周年之际
刘双江
- 2053 砥砺奋进六十载 创新跨越向未来——中国科学院微生物研究所建所六十周年志纪
- 2067 六十年一路同行 新时代再创辉煌——祝贺中国科学院微生物研究所建所六十周年
谭华荣, 张晓丽, 李磊

综述

- 2070 马桶冲水行为与微生物气溶胶传播
毛怡心, 丁培, 孙宗科
- 2078 D-氨基酸在细菌生理中的结构性能和调节功能的研究进展
纪芳, 陈博磊, 梁勇

研究报告

- 2087 洋河浓香型白酒发酵过程酒酯微生物群落结构解析及其与有机酸合成的相关性
刘凡, 周新虎, 陈翔, 陈坚, 堵国成, 方芳
- 2100 香菇HMG-box转录因子*lelcrp1*基因的功能
胡悦, 蔡英丽, 喻晶晶, 周雁, 李军平, 边银丙, 龚钰华
- 2110 饲用微生物的分离鉴定及其对杏鲍菇菌糠发酵的效果
高旭红, 曲星梅, 周雅婷, 张恩平
- 2133 中国微生物资源研究现状及未来发展态势分析 (英文)
吴林寰, 刘柳, 孙清岚, 刘斌, 于建荣, 徐萍, 陈方, 陈云伟, 李祯祺, 施慧琳, 周宇光, 马俊才

- 2134 天山一号冰川前沿生态系统真菌群落结构演替及分布格局
李宁宁, 张瑞蕊, 刘文莉, 张艳, 倪永清
- 2147 一株桑树内生拮抗菌的分离、鉴定及发酵条件优化
方翔, 徐伟芳, 牛娜, 欧婷, 王飞, 左伟东, 谢洁
- 2161 嗜热子囊菌 *Thermoascus crustaceus* JCM12803 来源的低温 α -淀粉酶功能验证及其适冷机制分析
杨雄振, 郭玉杰, 涂涛, 姚斌, 罗会颖, 缪礼鸿
- 2174 植被退化对滇西北高寒草地土壤微生物群落的影响
金志薇, 钟文辉, 吴少松, 韩成
- 2203 定量蛋白质组分析蚯蚓血红蛋白样蛋白 MSMEG_3312介导的分枝杆菌耐红霉素机制 (英文)
张玉娇, 胡新玲, 李晓静, 邓海腾, 米凯霞
- 2204 辣椒疫霉RXLR型效应子PcAvh2的序列多态性、基因转录特征及功能
陈孝仁, 张烨, 黄沈鑫, 邢玉平, 纪兆林
- 2216 不同水稻组织内生细菌的群落多样性
沙月霞
- 2229 *bagZH*编码酪氨酸酶样铜酶并参与 bagremycin生物合成
祁双双, 吴海珍, 叶江, 张惠展
- 2240 牛源多杀性巴氏杆菌的分离与初步鉴定
林立山, 黄秦, 才灵杰, 马家乐, 姚火春, 潘子豪
- 2249 《微生物学报》2018年全年总目录

广告

- 封二 中关村量子生物农业产业技术创新战略联盟
文前(I/II) 镇江东方生物工程设备有限公司
封三 上海开放生物科技有限公司

CONTENTS

REVIEWS

2077 Toilet flushing related microorganism aerosol transmission

Yixin Mao, Pei Ding, Zongke Sun

2086 Roles of D-amino acids on the physiological structure and regulatory function of bacteria

Fang Ji, Bolei Chen, Yong Liang

RESEARCH ARTICLES

2099 Microbial community of fermented grains and its correlation with organic acids biosynthesis during Yanghe strong-aroma liquor manufacturing process

Fan Liu, Xinhui Zhou, Xiang Chen, Jian Chen, Guocheng Du, Fang Fang

2109 Function analysis of HMG-box transcription factor *lelcrp1* in *Lentinula edodes*

Yue Hu, Yingli Cai, Jingjing Yu, Yan Zhou, Junping Li, Yinbing Bian, Yuhua Gong

2122 Isolation and identification of forage microbial community and its effect on the fermentation quality of *Pleurotus eryngii* substrate

Xuhong Gao, Xingmei Qu, Yating Zhou, Enping Zhang

2123 The status and future aspects of the researches of microbial resources in China

Linhuan Wu, Liu Liu, Qinlan Sun, Bin Liu, Jianrong Yu, Ping Xu, Fang Chen, Yunwei Chen, Zhenqi Li, Huilin Shi, Yuguang Zhou, Juncai Ma

2146 Community structure and succession of fungi in the forefront of Tianshan No. 1 glacier, China

Ningning Li, Ruirui Zhang, Wenli Yan, Yan Zhang, Yongqing Ni

2160 Screening, identification and optimization of fermentation conditions of an antagonistic endophytic bacterium from mulberry

Xiang Fang, Weifang Xu, Na Niu, Ting Ou, Fei Wang, Weidong Zuo, Jie Xie

2173 Characterization and cold-adaptation mechanism of a cold-active α -amylase from *Thermoascus crustaceus* JCM12803

Xiongzen Yang, Yujie Guo, Tao Tu, Bin Yao, Huiying Luo, Lihong Miao

2185 Effect of vegetation degradation on microbial communities in alpine grassland soils in Northwest Yunnan

Zhiwei Jin, Wenhui Zhong, Shaosong Wu, Cheng Han

2186 Mechanisms of MSMEG_3312-mediated collective antibiotic tolerance to erythromycin in mycobacteria revealed by quantitative proteomic analysis

Yujiao Zhang, Xinling Hu, Xiaojing Li, Haiteng Deng, Kaixia Mi

2215 Sequence polymorphism, gene transcriptional pattern and function analysis of the RXLR effector PcAvh2 from *Phytophthora capsici*

Xiaoren Chen, Ye Zhang, Shenxin Huang, Yuping Xing, Zhaolin Ji

2228 Diversity of bacterial endophytic community in different rice tissues

Yuxia Sha

2239 *BagZH* encodes tyrosinase-like copper enzyme and participates in bagremycin biosynthesis

Shuangshuang Qi, Haizhen Wu, Jiang Ye, Huizhan Zhang

2248 Isolation and diversity analysis of bovine *Pasteurella multocida*

Lishan Lin, Qin Huang, Lingjie Cai, Jiale Ma, Huochun Yao, Zihao Pan

(本期责编: 张晓丽)