

烟草花叶病毒 RNA 双链复制型的分离和鉴定

中国科学院微生物研究所病毒复制组
(北京)

用³²P标记感染了TMV*的普通烟草，从叶组织中提取总RNA，并用纤维素柱层析分离，得到了TMV-RNA的复制型。它在高离子强度下抗RNase，在低离子强度下对RNase敏感，并具有能自我退火和能与TMV-RNA杂交等性质。用聚丙烯酰胺凝胶电泳法测得其分子量为 3.8×10^4 。根据以上性质可以确认它是对TMV-RNA有专一性的双链RNA。

关于病毒RNA的复制，在大肠杆菌噬菌体(Q β 及MS₂)和脊髓灰白质炎病毒中研究得比较详细^[1]。在这些工作中发现了病毒RNA复制的中间体，即复制型和复制中间型。其中RF由病毒RNA正链和与其互补的负链组成。RI除了具有双链的主体结构外，尚有部分单链RNA的“尾巴”联结其上。由此提出了种种关于病毒RNA复制的假设模型。

1964年就曾有人在感染烟草花叶病毒的植物细胞中分离到RF^[1]。近几年有人进一步从感染TMV的烟叶中分离提纯了RF和RI，并对双链RNA的“正”“负”链进行了研究^[2-7]。此外，从许多其它受到病毒感染的植物中也分离到双链RNA，如芜菁黄化花叶病毒感染的白菜，苜蓿花叶病毒感染的烟草，豇豆花叶病毒感染的豇豆，雀麦花叶病毒感染的大麦等^[8]。这些事实表明，在植物病毒RNA复制过程中可能也有与噬菌体或动物病毒类似的情况，即RF及RI起着必不可少的中间体作用。

我们参照A.O.Jackson等人的方法^[2]，用³²P标记感染了TMV的普通烟，从叶组织中提取总RNA，用纤维素柱层析法分离到TMV-RNA的复制型，并鉴定了它的性质。

材料与方法

植物和病毒：普通烟(*Nicotiana tabacum*)黄苗榆种，在防虫温室内培养，长到4—5片叶时，用提纯的TMV 0.3毫克/毫升(在0.067M pH7.0磷酸缓冲液中)，加少许金钢砂磨擦接种全部展开的叶片，接种后叶片用水淋洗，继续在温室培养。

³²P标记核酸：接种第五天后选择五棵略见明脉的感病植株，切取地上部份，除去老叶后，放在37℃恒温箱内使之稍萎蔫，分别插入盛有0.5毫升pH7.0 NaH₂³²PO₄(约2—2.5毫居里)的2毫升烧杯中，再把它们放在50毫升烧杯中，最后一起放入3000毫升烧杯中。当NaH₂³²PO₄被吸干后，向50毫升烧杯内加入缺磷的Hoagland营养液约30毫升，同时向3000毫升烧杯内加少量水，加盖保湿。在24℃下光照(400勒克斯)16小时，黑暗8小时，共处理24小时。

缓冲液：

1. TNE缓冲液：0.1M三羟甲基氨基甲烷；0.1M氯化钠；0.01M乙二胺四乙酸二钠盐；pH 7.0。

2. STE缓冲液：0.1M氯化钠；0.05M三羟

本文于1976年4月6日收到。

* 本文采用的英文缩写：DNA——脱氧核糖核酸；ds-RNA——双链核糖核酸；RF——复制型；RI——复制中间型；RNase——核糖核酸酶；r-RNA——核糖体核糖核酸；ss-RNA——单链核糖核酸；TCA——三氯醋酸；TMV——烟草花叶病毒。

甲基氨基甲烷; 0.001M 乙二胺四乙酸二钠盐;
pH6.85。

3. SSC 缓冲液: 0.15M 氯化钠; 0.015M 柠檬酸钠; pH7.2。

4. E 缓冲液: 0.04M 三羟甲基氨基甲烷;
0.02M 醋酸钠; 2mM 乙二胺四乙酸二钠盐; pH7.8。

³²P 标记 ds-RNA 的制备: 采集 ³²P 标记的叶片, 去中脉称重, 用液氮冻结, 在研钵中研成粉末, 每 10 克叶加入 20 毫升 TNE 缓冲液和 20 毫升 TNE 平衡过的酚。使混合的浆液充分融化后, 离心 10 分钟, ($\times 5000g$), 收集水相, 再在此水相中加入其体积一半的酚, 振荡 10 分钟, 再离心收集水相。在得到的水相中加入 2.5 倍体积的冷乙醇, 几滴 3M pH4.0 的醋酸钠, 置于 4°C 过夜。离心 20 分钟, ($\times 6000g$), 收集沉淀, 溶解在 15 毫升 STE 缓冲液中, 离心除去不溶物质, 将上清液制成含 35% 乙醇溶液, 作为上柱液。

用按照 Franklin (1966)^[1] 方法制备的 Serva 纤维素柱进行层析。

第一次柱层析: 柱直径 1.5 厘米, 长 28 厘米。样品上柱后先用含 35% 乙醇的 STE 缓冲液洗脱, 再用含 15% 乙醇的 STE 缓冲液洗脱, 最后用单一的 STE 缓冲液洗脱。收集最后一次出现洗脱峰的数管, 即为含 ds-RNA 的部份。为了进一步纯化, 把它配成含 35% 乙醇的溶液, 进行第二次柱层析。

第二次柱层析: 柱直径 1 厘米, 长 18 厘米。样品上柱后先用含 15% 乙醇的 STE 缓冲液, 再用单一 STE 缓冲液洗脱。收集最后一次出现洗脱峰的数管, 作为分析 ds-RNA 的样品。

ds-RNA 性质的鉴定:

1. 不同盐浓度下对 RNase 的抗性: 120 微升 ds-RNA 样品用 10 倍浓度的 SSC 缓冲液分别配成浓度为 0.1、0.5 及 2.5 倍的 SSC 缓冲液, 加入 50 微克/毫升 RNase A 及 6 单位/毫升 *RNase T₁, 在 33°C 水浴保温 25 分钟 (以下核糖核酸酶的试验均按此条件)。

2. 热变性及自退火: 120 微升 ds-RNA 样品置于封闭管中, 沸水浴加热 10 分钟。热变性的组立即放入 0°C 冰浴冷却; 自退火的一组放在 85°C 水浴退火 6 小时之后, 室温冷却。两组样品均在含有 2.5 倍浓度的 SSC 缓冲液条件下试验对

RNase 的抗性。

3. 熔解温度 (T_m 值) 的测定: ds-RNA 在一定温度梯度下的水浴中加热 5 分钟后, 立即在 0°C 水浴冷却。将所有样品均在 2.5 倍浓度的 SSC 缓冲液条件下测定对 RNase 的抗性。

4. 杂交试验: 120 微升 ds-RNA 在封闭管中, 沸水浴加热 10 分钟, 在冰浴中迅速冷却, 低速离心 2 分钟, 以使粘在管壁上的样品离心下来, 分别加入 50 微升 10×SSC, 15、50、100 微克/毫升 TMV-RNA 或 50、100 微克/毫升酵母 r-RNA 及适量的水, 使体积达 190 微升。混匀的样品在 85°C 水浴中退火。冷却至室温后, 加入 10 微升 RNase 溶液, 其总体积为 200 微升, 试验对 RNase 的抗性。

5. TCA 不溶的大分子核酸放射性测定: 标准的 RNase 反应体积均为 200 微升, 反应后立即放入 0°C 冰浴冷却, 取 70 微升点在 Whatman No. 3MM 滤纸圆片 ($\phi 2.4$ 厘米) 上^[10]。湿润的纸片投入 5% 冷 TCA (含 1% 焦磷酸钠及 0.02% 尿素), 固定 20 分钟。再用 5% TCA 洗两次。用乙醇和乙醚各半的溶液洗两次。最后用乙醚洗二次。干燥的纸片放入测定瓶, 加入 5 毫升甲苯闪烁液, 在 NE8312 液体闪烁谱仪上测定放射性计数。

6. 凝胶电泳: 用 2.4% 聚丙烯酰胺 (其中含 0.12% 双丙烯酰胺) 圆管凝胶电泳测定 ds-RNA 的分子量^[11, 12]。电泳槽上下均用 E 缓冲液, 加样前先电泳一小时。以 TMV-RNA 和 *E. coli* r-RNA 为参照物在相同条件下与 ds-RNA 一起电泳。将 10—30 微克 RNA (体积小于 30 微升); 50—100 微升 ³²P 标记的 ds-RNA (均含 5% 蔗糖), 分别置于凝胶柱上, 以 5 毫安/管的电流在 4°C 下电泳 3 小时。TMV-RNA 和 *E. coli* r-RNA 用 Scan 400 型核酸蛋白质测定仪在 260 毫微米波长扫描。ds-RNA 凝胶柱用液氮冻结之后, 每隔 2 毫米切一片, 置于圆滤纸片上, 65°C 烘干。放入装有 5 毫升甲苯闪烁液的测定瓶内, 在 NE8312 液体闪烁谱仪上测定放射性计数。

7. 参照 RNA 的提取和沉降常数的测定: TMV-RNA 按 Fraenkel-Conrat 等 (1961) 酚皂土

* RNase T₁ 由生物物理所 824 组提供。

法制备^[1,3]。把 TMV-RNA 溶在 0.15M 氯化钠中，浓度为 3%，在 UCAEA 型分析超速离心机上，(40,000转/分) 4℃，离心一小时，测出沉降常数为 $S_{W,25}^0$ 为 28S (校正值)。

E. coli r-RNA 的提取：湿菌体用 0.15M 酪酸钠溶液洗二次，加研磨粉调成糊状，在 4℃ 下用细菌磨磨碎，用酚-间甲酚-八羟基喹啉提取，以下步骤按 R. A. Cox (1962) 的方法^[4]。得到的 *E. coli* r-RNA 按上述方法测出二组份的沉降常数分别为 23S 和 16S。

实验结果

一、ds-RNA 的提纯

第一次和第二次纤维素柱层析的结果见图 1 和 2。可以看出，在纤维素柱层析时，用含不同比例乙醇的缓冲液分步洗脱，可以使 ds-RNA 与单链 RNA 和 DNA 分开。ds-RNA 只有在用单一 STE 缓冲液洗脱时才被洗下来。我们用第二次层析后对不含乙醇的 STE 缓冲液洗脱的 ds-RNA 进行分析鉴定。在有的试验中，用二次柱层析后 15% 乙醇的缓冲液洗脱峰，即 SS-

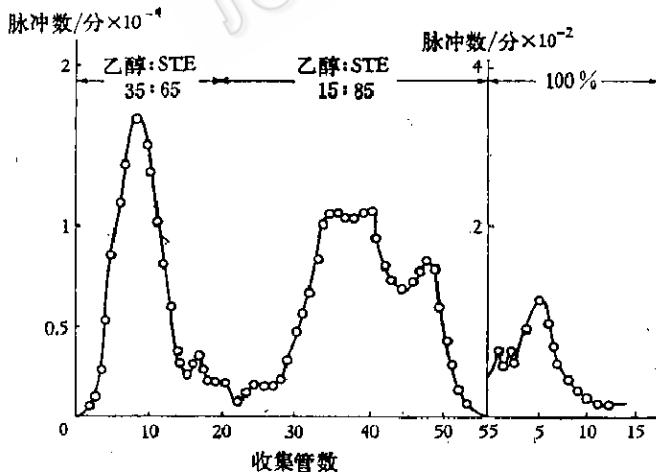


图 1 第一次纤维素柱层析洗脱曲线

柱直径×长度 = 1.5×28 厘米，样品上柱流速 2 毫升/5 分钟，洗脱流速 4.5 毫升/5 分钟。每 5 分钟收一管，每管取 0.02 毫升点在 Whatman No. 3MM 滤纸片上(ϕ 2.2 厘米)，干燥后在 α 、 β 、 γ 三用闪烁探头 (FJ328G₁)，在 FH-408 自动定标器上计数。纵座标为样品脉冲数/分钟，横座标为收集管数。

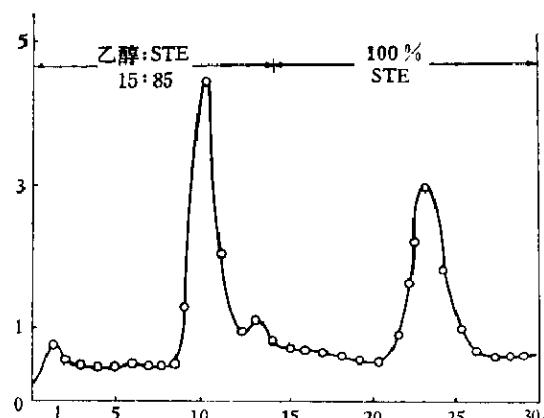


图 2 第二次纤维素柱层析洗脱曲线

柱直径×长度 = 1×18 厘米，样品上柱流速 1.5 毫升/5 分钟。洗脱流速 2 毫升/5 分钟。测定方法见图 1。纵座标为样品脉冲数/分钟 $\times 10^{-2}$ ，横座标为收集管数。

RNA，作为对照。

二、ds-RNA 的性质

(一) 不同盐浓度下 ds-RNA 对 RNase 的抗性：ds-RNA 在高盐浓度下 (如氯化钠、氯化钾、氯化锂) 是稳定的，因为减少了两条链之间磷酸二酯键的排斥力，从而间接增强了碱基对之间的氢键。

ds-RNA 在不同盐浓度下表现出不同的抗 RNase 性质 (见表 1)。

从表 1 可以看出，在 2.5SSC 时 ds-RNA 几乎完全抗 RNase，在 0.1SSC 时 ds-RNA 则被降解，按对照计数只剩 1.2%。同时 ³²P 标记的 ss-RNA 无论在 2.5 或 0.1SSC 条件下均被 RNase 降解，分别剩下的计数占对照的 5% 和 0.7%。

(二) 热变性和自退火：ds-RNA 的两条链在沸水浴中加热 10 分钟后，迅速冷却，即被解开成为两条单链，由原来的抗 RNase 变成对 RNase 敏感。从表 2 可以看到变性的 ds-RNA 样品在

表 1 ds-RNA 在不同盐浓度下对 RNase 的抗性

试验样品	处理条件	试验一		试验二	
		酸不溶部分的放射性 脉冲数/分	相当于对照 %	酸不溶部分的放射性 脉冲数/分	相当于对照 %
ds-RNA	2.5SSC	+RNase	853	94	1226
		对照	904	100	1451
	0.5SSC	+RNase	399	43	423
		对照	920	100	1441
	0.1SSC	+RNase	11	1.2	25
		对照	914	100	1408
ss-RNA	2.5SSC	+RNase	—	—	112
		对照	—	—	2229
	0.1SSC	+RNase	—	—	15
		对照	—	—	1999

注：对照均不加 RNase。

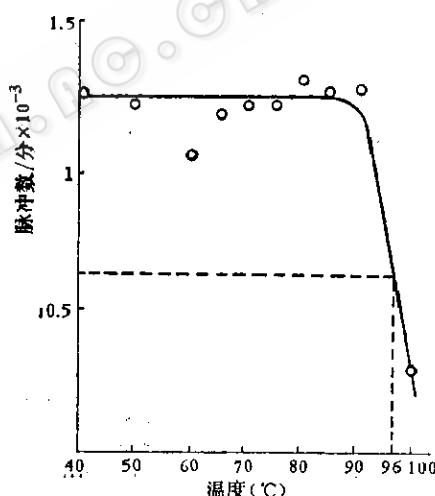
RNase 反应后，只占对照的 22%。

表 2 ds-RNA 的热变性试验

试验	酸不溶部分的放射性 (脉冲数/分)		+RNase/ 对照%
	+RNase	对照	
1	193	869	22
2	287	1208	23.7

注：对照管与试验管同样进行热变性，但最后反应时不加 RNase。

用逐渐提高温度的方法，可以测定 ds-RNA 的熔解温度(T_m 值)。所谓熔解温度，就是使 ds-RNA 的放射性计数降低到 1/2 时的温度。在此温度附近，ds-RNA 的放射性计数急剧下降(见图 3)。我们测出 ds-RNA(在含 0.1MNa⁺ 的 STE 缓冲液中)的 T_m 值约 96°C。Kielland-Brandt (1973) 等人^[3]在 0.1、1、2.5 SSC 下测出的 TMV ds-RNA 的 T_m 值分别为 86°C、99°C 和 101°C。与我们的结果比较接近。Jackson^[2]在低离子强度的 PE 缓冲液(0.001MK⁺)中测出 TMV ds-RNA T_m 值是 68°C，可见温度处理时的离子强度对 T_m 值有一定影响。

图 3 熔解温度(T_m 值)测定

注：纵座标：与 RNase 反应之后酸不溶部分的脉冲数/分钟。横座标：加热温度。

把加热变性的 ds-RNA 放在一定温度和离子强度下退火，则分开的两条链又重新结合成双链。从表 3 看到退火程度与离子强度有密切关系。在 2.5 SSC 下退火，可恢复到对照计数的 79%。若使 ds-RNA 原液变性后退火，只恢复到对照计数的 50%。

(三) 杂交：为鉴定 ds-RNA 是否包含 TMV-RNA 和与其互补的链，将它变性。

表 3 变性 ds-RNA 的退火

退火时的 盐浓度	试 验 一			试 验 二		
	+RNase 脉冲数/分	对 照 脉冲数/分	+RNase/ 对照%	+RNase 脉冲数/分	对 照 脉冲数/分	+RNase/ 对照%
0.1M Na ⁺ *	789	1280	62	651	1282	50.7
2.5SSC	—	—	—	1100	1388	79.2

* 1. TMV ds-RNA 样品原液的盐浓度；

2. 对照管与试验管同样进行热变性和退火处理，但最后反应时不加 RNase。

表 4 杂交竞争试验

盐 浓 度	“冷” RNA 微克/毫升	试 验 一*			试 验 二		
		+RNase 脉冲数/分	对 照** 脉冲数/分	+RNase/ 对照%	+RNase 脉冲数/分	对 照** 脉冲数/分	+RNase/ 对照%
2.5SSC	TMV RNA:						
	15	—	—	—	540	1382	39.1
	50	228	591	39	446	1382	32.2
	100	—	—	—	477	1382	34.5
	酵母 RNA:						
	50	475	591	80	1281	1382	92.6
	100	—	—	—	1129	1382	81.6

* 试验一总反应体积 160 微升，其中含 ds-RNA 100 微升。与 RNase 反应后，点样量 60 微升。其余试验条件同试验二。见材料与方法；

** 对照：不加外源 RNA，退火后不加 RNase，而加适量水，与试验管同样在 33℃ 保温 25 分钟。

后，加入 TMV-RNA 或酵母核糖体 RNA 一同保温退火。并测定其对 RNase 的抗性。

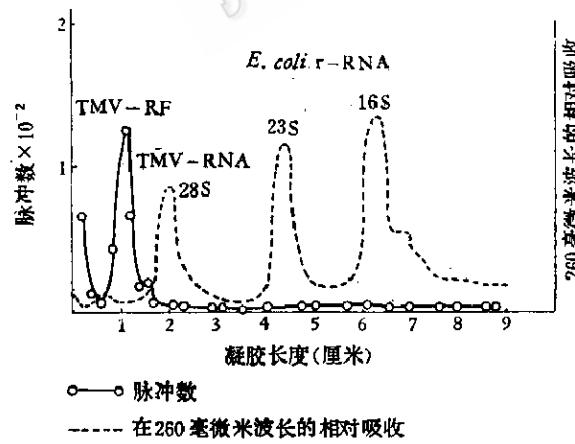


图 4 2.4% 聚丙烯酰胺凝胶电泳

凝胶柱长 9 厘米，内径 0.6 厘米，

电流：5 毫安/管，电泳 3 小时。

--- TMV-RNA 10 微克与 *E. coli* r-RNA 30 微克混合，电泳后用 SCAN 400 扫描器扫描。

· · · · · TMV-ds-RNA 在同一条件下电泳后切成厚度为 2 毫米薄片，测定放射性计数。

由表 4 看到 ds-RNA 在 2.5 倍浓度的 SSC 下退火时，分别加入 15、50、100 微克/毫升 TMV-RNA，退火后恢复到对照计数的 32—39%，而在同样离子条件下进行的 ds-RNA 自退火（在与 RNase 反应后），可恢复到对照计数的 79.2%（见表 3）。这是由于非标记的或“冷”的 TMV-RNA 与 ds-RNA 杂交，取代了一部分 ³²P 标记的 TMV-RNA，而使 ds-RNA 放射性计数下降。如加入 50、100 微克/毫升酵母 r-RNA，可使退火率达到 80—92%，说明异源的酵母 r-RNA 由于不能与 ds-RNA 杂交，而不影响其退火过程。因此证明我们分离到的 ds-RNA 对 TMV-RNA 是特异的，它包含有 TMV-RNA 及其互补链。这与别人的一些试验结果是一致的^[2,4]。

（四）聚丙烯酰胺凝胶电泳：ds-

RNA 在凝胶电泳后切成 2 毫米薄片，测定放射性计数。TMV-RNA 与 *E. coli* r-RNA 电泳后扫描结果见图 4。以 *E. coli* r-RNA 16S 组分的移动距离为 1，TMV-RNA 和 ds-RNA 的组份之一的迁移率分别是 0.40 和 0.18。因此 ds-RNA 的迁移率约为 TMV-RNA 的 $1/2$ 。已知在一定分子量范围内 RNA 样品在聚丙烯酰胺凝胶电泳中电泳迁移率和 RNA 的分子量对数之间有线性关系。用已知分子量的 *E. coli* r-RNA、TMV-RNA 为参照物作一直线，用外推法就可算出 ds-RNA 的近似分子量。从图 5 推算出 ds-RNA 的分子量约为 3.8×10^6 。这与 TMV-RNA 的 RF 分子量理论值 4×10^6 比较一致。因而进一步从分子量上证明了我们分离到的 TMV ds-RNA 的组份之一是 RF。它的两条链是由 TMV-RNA 及其互补的链组成。

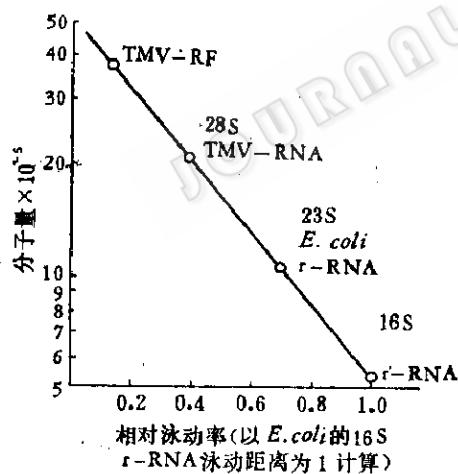


图 5 聚丙烯酰胺凝胶电泳测定 TMV- RF 的近似分子量

应当指出，单链和双链 RNA 分子构型不同，其分子量和泳动率之间的关系也不相同。因此利用几个单链 RNA 为参照物作出的标准曲线，测定双链 RNA 的分子量，只能得到近似的结果。

讨 论

试验结果表明，感染了 TMV 的烟叶中含有双链 RNA。它在高离子浓度下抗 RNase，在低离子浓度下对 RNase 敏感。在热变性后对 RNase 也敏感。此外，从自退火及能与 TMV-RNA 杂交等性质上看，均可确认它是对 TMV-RNA 有专一性的 ds-RNA。

用 2.4% 聚丙烯酰胺凝胶电泳测出 ds-RNA 组份之一的分子量约为 3.8×10^6 。Jackson 等(1970)^[2]用 2N LiCl 处理 ds-RNA 分离出 RF 和 RI，用 1.6% 聚丙烯酰胺(内含 0.5% 琼脂糖)凝胶电泳测出它们的分子量分别是 4×10^6 和 5×10^6 。从现有的资料可以确定，我们分离出的 ds-RNA 的组份是 TMV-RNA 的复制型。

目前我们尚未对 ds-RNA 样品中的 RI 进行分离鉴定。但在几次凝胶电泳分析中，我们发现除已描述过的 TMV-RNA 复制型外，从凝胶柱的顶端到 2 毫米处有一较高放射性计数(图 4)，可能是 RI。最近 Aoki 等人^[3]从感染 TMV 的原生质球中分离出病毒特异的核酸。他们用 2.4% 聚丙烯酰胺凝胶电泳作的分析表明：RI 在凝胶柱 1—7 毫米处，RF 在 10—12 毫米处。其 RI 与 RF 电泳时所处部位与我们的结果比较一致。

在分离 TMV ds-RNA 的试验过程中，我们曾用过 CF-11 纤维素等数种材料。其中只有用 Serva 纤维素得到了较好的结果。因此，不同种类和不同批号的纤维素对 ds-RNA 可能具有不同的吸附性能。

参 考 资 料

- [1] Ralph, R. K.: *Advan. Virus Res.* 15: 61—158, 1969.
- [2] Jackson, D. M. et al.: *Virology*, 45: 182—191, 1971.

- [3] Kielland-Brand, M. C. et al.: *Mol. Gen. Genet.*, 121: 219—228, 1973.
- [4] Kielland-Brand, M. C. et al.: *ibid*, 121: 229—238, 1973.
- [5] Kielland-Brand, M. C. et al.: *J. Mol. Biol.*, 87: 489—503, 1974.
- [6] Nilsson-Tillgran, T.: *Mol. Gen. Genet.*, 105: 191—202, 1969.
- [7] Nilsson-Tillgran, T.: *ibid*, 109: 246—256, 1970.
- [8] Hamilton, R. M.: *Ann. Rev. of Phytopathology*, 12: 223—245, 1974.
- [9] Franklin, R. M.: *Proc. Nat. Acad. Sci. U. S.*, 55: 1504—1511, 1966.
- [10] Bollum, F. J. et al.: *Procedures in Nucleic Acid Research*, 1: 296—300, 1966.
- [11] Bishop, D. H. L. et al.: *J. Mol. Biol.*, 26: 373—387, 1967.
- [12] Loening, U. E.: *Biochem. J.*, 113: 131—138, 1969.
- [13] Fraenkel-Conrat, H. et al.: *Virology*, 14: 54—58, 1961.
- [14] Cox, R. A. et al.: *Biochim. Biophys. Acta*, 61: 197—208, 1962.
- [15] Aoki, S. et al.: *Virology*, 65: 343—354, 1975.

ISOLATION AND CHARACTERIZATION OF THE REPLICATIVE FORM OF TMV-RNA

RESEARCH GROUP OF VIRUS REPLICATION, INSTITUTE
OF MICROBIOLOGY, ACADEMIA SINICA
(Beijing)

The double stranded RNA specific to TMV-RNA had been isolated by cellulose (Serva) Column chromatography of the total RNA extracted from ^{32}P -labeled TMV-infected (*Nicotiana tabacum*) tobacco leaves. It is resistant to RNase treatment under a condition of high

ionic strength. It has also been characterized by denaturation, annealing and hybridization tests. Its mol. wt. is 3.8×10^6 as determined by polyacrylamide gel electrophoresis. Judging by the properties mentioned above, the RNA in question is definitely the replicative form of TMV-RNA.